Computación Bio-inspirada

Tema 2: Computación Natural Bio-inspirada

David Orellana Martín Mario de J. Pérez Jiménez

Grupo de Investigación en Computación Natural Dpto. Ciencias de la Computación e Inteligencia Artificial Universidad de Sevilla

dorellana@us.es (http://www.cs.us.es/~dorellana/)
marper@us.es (http://www.cs.us.es/~marper/)

Máster Universitario en Lógica, Computación e Inteligencia Artificial
Curso 2025-2026







Índice

- * Limitaciones de las máquinas electrónicas.
- * La Naturaleza viva: una fuente de inspiración computacional.
- * Paradigma de la computación molecular basada en ADN.
 - * Primeras ideas.
- * Paradigma de la computación celular con membranas.
 - * Primeras ideas.







Premio Nobel de Química de 2016

- * Jean Pierre Sauvage, Universidad de Estrasburgo (Francia),
- * James Fraser Stoddart, Universidad de Northwestern (EEUU)
- Bernard L. Feringa, Universidad de Groningen (Holanda).

Por el diseño y la síntesis de máquinas moleculares.

(las máquinas más pequeñas del mundo: ~ 1.000 veces más pequeñas que el \underline{ancho} de un $\underline{cabello}$)







Limitaciones de las máquinas electrónicas

- Máquinas: dispositivos finitos.
- Limitaciones en espacio (memoria) y en tiempo.
 - * Espacio: miniaturización (R. Feymann, 1959).
 - Tiempo: velocidad de cálculo de los procesadores electrónicos (R. Churchhouse, 1983).
- Consecuencia:
 - Existen problemas relevantes de la vida real que nunca podrán ser resueltos por ordenadores electrónicos (a menos que ...)







Computación no convencional

- Dispositivos de un modelo de computación: máquinas
- Máquinas universales:
 - * Convencionales: soporte electrónico.
 - * No convencionales: otro soporte distinto.
- Búsqueda de nuevos paradigmas computacionales ...
 - * para implementar máquinas no convencionales de propósito general.
- Huida hacia adelante:
 - * La Naturaleza como una fuente de inspiración computacional.







La Naturaleza viva: Una alternativa

Paradigma computacional inspirado en la Naturaleza viva.

Computación Natural: Disciplina que trata de capturar la forma en que la Naturaleza lleva realizando procesos de cálculo desde hace millones de años.

- * Redes neuronales artificiales: W.S. McCulloch y W.H. Pitts (1943).
- Teoría de la comunicación en el sistema nervioso humano: J. von Neumann, H. Aiken, N. Wiener (1946).
- * Sistemas complejos auto-reproductivos: J. von Neumann (1947).
- * Autómatas celulares: J. von Neumann, S. Ulam (1951).







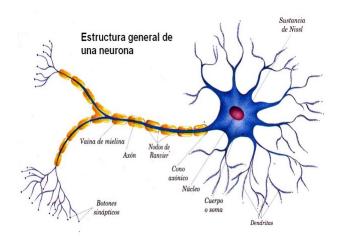
- * Teoría de patrones: A. Turing (1952).
- * Algoritmos genéticos: J. Holland (1975).
- * Modelo Splicing: T. Head (1987).
- * Paradigma de la computación molecular basada en ADN: L. Adleman (1994).
- * Paradigma de la computación celular: Gh. Păun (1998).







Neuronas



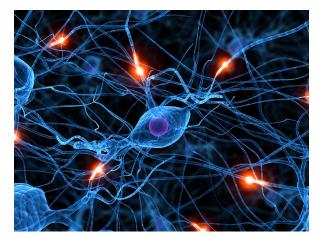
El cerebro humano contiene aproximadamente 10^{11} neuronas (cien mil millones).







Sinapsis



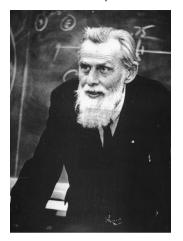
En el sistema nervioso humano existen, aproximadamente, 10^{14} sinapsis que comunican las neuronas (de cada una, entran y salen unas 1000 conexiones).





Redes neuronales artificiales

Fueron introducidas por W.S. McCulloch, W.H. Pitts en 1943¹.





¹ W.S. McCulloch, W.H. Pitts. A logical calculus of the ideas immanent in nervous activity. Bulletin of Mathematical Biophysics, 5, 1943, 115-133.

Redes neuronales artificiales

Inspiradas en el sistema complejo de redes neuronales del cerebro humano (simulación del sistema nervioso).

- * Conjunto de unidades de proceso conectadas entre sí, a modo de neuronas.
- * Capacidades básicas: aprendizaje, generalización y abstracción.
- Procesamiento en paralelo, memoria distribuida y adaptabilidad.
- * Elaboración de un modelo de comportamiento a partir de una base de ejemplos.
 - Inicialmente la red es ignorante y tiene la habilidad de "aprender" a partir de ejemplos.
 - Capacidad para aprender aquello que tenga cierto sentido (aproximador universal): concepto formalizado (Kolmogorov).







Redes neuronales artificiales

- Objetivo inicial: mejorar el rendimiento de programas ejecutados sobre máquinas electrónicas.
- * Aplicaciones a disciplinas muy diversas
 - * Robótica.
 - ⋆ Diagnosis médica.
 - * Reconocimiento de señales y de imágenes.
 - ⋆ Procesamiento del lenguaje natural.
 - ★ Economía y finanzas.
 - * Etc.







Teoría de la comunicación en el sistema nervioso humano

Interés suscitado en J. von Neumann por las redes neuronales artificiales.

Estudio de los sistemas de comunicación y regulación automática de los seres vivos, a través del sistema nervioso (aplicados a sistemas electromecánicos).

- Elementos básicos de las máquinas de propósito general: inspirados en estructuras y funcionalidades de los organismos vivos.
- * Paralelismo entre la memoria humana y la de una máquina de propósito general.

Nacimiento de la cibernética².

² N. Wiener. Cybernetics or control and communication in the animal and the machine, Actualités Scientifiques et Industrielles 1053, The Technology Press-John Wiley and Sons, Inc, Paris, 1948.

Sistemas complejos auto-reproductivos

A partir de 1947, J. von Neumann se interesó por la capacidad de las máquinas para "reproducirse".

- * Analizó el diseño de dispositivos computacionales tolerante a fallos.
- Estudió la complejidad computacional requerida para que un sistema complejo fuese auto-reproductivo.
- Trató de diseñar un autómata auto-reproductivo basado en ecuaciones en derivadas parciales (alta complejidad computacional).
- Intentó diseñar un tal autómata a través de células artificiales.

Autómatas celulares

Interés suscitado en J. von Neumann por las ideas sobre autómatas desarrolladas por Post y Turing (1936).

El diseño de autómatas auto-reproductivos a través de células artificiales (S. Ulam), condujeron de manera natural a los **autómatas celulares** (1947)³.

* Incorporación del procesamiento paralelo.

Un paradigmático autómata celular: el **juego de la vida** (J.H. Conway, 1970), difundido por M. Gardner⁴.

S. Wolfram estudió el comportamiento de los autómatas celulares, justificando que, a partir de un escenario inicial, puede exhibir conductas diferentes⁵.

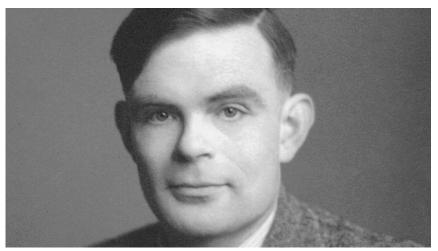
³ J. von Neumann. Theory of Self-reproducing Automata. Edited and completed by A.W. Burks, University of Illinois Press, Urbana and London, 1966.

⁴M. Gardner. Mathematical Games: The fantastic combinations of John Conway's new solitaire game "Life", Scientific American. 1970.

⁵S. Wolfram. Theory and Application of Cellular Automata, World Scientific, Singapur, 1986.

Teoría de patrones

A partir de 1952, A.Turing se centró en el estudio de la teoría de patrones, aplicada al mecanismo de desarrollo de la forma (morfogénesis)⁶.



⁶A. Turing. The Chemical Basis of Morphogenesis. Philosophical Transactions of the Royal Society of London. Series B, Biological Sciences, Vol. 237, No 641. (Aug. 14, 1952), pp. 37-72.

Teoría de patrones

A. Turing conjeturó la existencia de patrones regulares en el sistema biológico animal, a la hora de implementar la morfogénesis⁷.



⁷ A. Turing. The Chemical Basis of Morphogenesis. Philosophical Transactions of the Royal Society of London. Series B, Biological Sciences, Vol. 237, No 641. (Aug. 14, 1952), pp. 37-72.

Teoría de patrones

- Las células se organizan entre ellas para crear las diferentes estructuras y formas en los animales.
- Las estructuras resultantes son consecuencia de la difusión de moléculas por el espacio y las reacciones químicas que se produce entre ellas.
- La combinación de los procesos de difusión/reacción produce la creación de patrones periódicos, en lugar de homogéneos.
- * La pigmentación de los animales (i.e. las rayas que aparecen regularmente en ciertos animales) eran causadas por un par de sustancias químicas (morfógenos) que trabajaban, a la vez, como activadores e inhibidores.
- * Esta conjetura fue corroborada experimentalmente, en 2012, por unos investigadores del King's College, en Cambridge.













Algoritmos Genéticos

Introducidos por J.H. Holland en 1975⁸



"Se pueden encontrar soluciones aproximadas a problemas de gran complejidad computacional mediante un proceso de evolución simulada"

⁸ J. Holland. Adaptation in Natural and Artificial Systems An Introductory Analysis with Applications to Biology, Control, and Artificial Intelligence. Ann Arbor, The University of Michigan Press, December 1, 1975.

Algoritmos Genéticos

Inspiración: proceso observado en la evolución natural de los seres vivos.

- * Problema de la supervivencia para un ser vivo (uso de su material genético).
- * Adaptarse más y mejor a un entorno cambiante y, eventualmente, hostil.
- * Adquirir conocimiento de su experiencia, siendo "consciente" de ella.

Se rigen por los principios de selección natural:

- * La evolución se da a nivel de los cromosomas.
- La evolución se implementa a través de la combinación de los cromosomas de los progenitores.
- Los individuos con mejores cromosomas tendrán mayor probabilidad de reproducirse y sobrevivir.
- * En cada nueva generación sólo se considera la información presente en sus progenitores.







Algoritmos Genéticos

- Objetivo inicial: mejorar el rendimiento de programas ejecutados sobre máquinas electrónicas.
- * Aplicaciones a disciplinas muy diversas
 - Soluciones aproximadas de problemas de búsqueda y de optimización computacionalmente duros.
 - ⋆ Teoría de juegos.
 - * Planificación de rutas logísticas.
 - * Reconocimiento de señales y de imágenes.
 - Optimización de cortes de material.
 - * Etc.







Modelo Splicing

Es el primer modelo computacional <u>abstracto</u> basado en la manipulación de moléculas de ADN.

Fue desarrollado por T. Head en 1987⁹.



Posteriormente, sería "completado" por Gh. Păun, G. Rozenberg y A. Salomaa en 1996^{10} .

⁹T. Head. Formal language theory and DNA: an analysis of the generative capacity of specific recombinant behaviours. **Bulletin of Mathematical Biology**, **49**, 1987, 737-759.

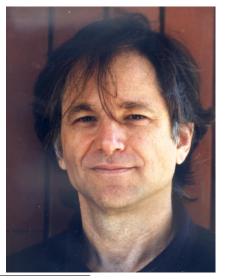
¹⁰ Gh. Păun, G. Rozenberg, A. Salomaa. Computing by Splicing. Theoretical Computter Science, 168, 2 (1996), 321-336 (1996).

Modelo Splicing

- La información es almacenada en cadenas de caracteres, simulando el modo en que lo hacen las moléculas de ADN.
- Las operaciones sobre dichas cadenas son similares a las que realizan ciertas enzimas sobre el ADN.

Se considera el precursor de la Computación Molecular basada en ADN.

Paradigma computacional introducido por L.M. Adleman en noviembre de 1994¹¹.



¹¹L.M. Adleman. Molecular computation of solutions to combinatorial problems. Science, New Series. Volume 266, Issue 5187 (Nov. 11, 1994), 1021-1024.

- R. Feymann, 1959: Posibilidad de realizar computaciones a nivel molecular
 - * L. Adleman materializó el sueño de Feymann (noviembre de 1994).
- Analogía: procedimientos matemáticos y procesos biológicos.
 - * L. Adleman concretó esa similitud.
- El experimento de Adleman no es una implementación práctica del modelo splicing pero ...
 - el tipo de sustrato (moléculas de ADN) y las operaciones realizadas sobre el mismo, son similares a las propuestas que se hicieron en dicho modelo.







- Cromosomas:
 - * Descritos por Holfmeister, 1848.
 - * Codifican la información genética (Principios del s. XX).
 - ★ Proteínas + ADN (Claude, Porter, 1943 y Mirsky, 1947).
- Conjetura de la comunidad científica.
- ADN (J. Watson y F. Crick, 1951–1953)
 - * Descifran la estructura.
 - Descubren el principio de complementariedad.
 - Demuestran que las moléculas de ADN codifican toda la información genética.
 - * Justifican el uso de ciertas técnicas para su manipulación.







- Transistor (J. Bardeen, W. Shockley y W. Brattain, 1948).
 - * Manipulación electrónica silicio.
- L. Adleman (1994): manipulación bioquímica del carbono.
 - * Sueño de Adleman: simular una MT manipulando moléculas de ADN.
- Julio de 2000: interruptor a partir de una molécula.
 - * Sustituye la luz por una reacción química.
 - Dispone de más de mil procesadores en el espacio ocupado hoy día por un procesador.
 - * Aumenta la velocidad de cálculo unas cien mil millones de veces.
 - Puede reproducir cien ordenadores convencionales en el tamaño de un grano de sal fina.
- Simulación bioquímica de una MT (E. Shapiro, nov. 2001)







- Paradigma de computación molecular basada en ADN:
 - * Modelos orientados a programas.
 - * Modelos universales.
 - Modelos eficientes (intercambio tiempo/espacio).
 - * Modelos deterministas y masivamente paralelos.
- Las moléculas de ADN están direccionadas
 - en función de los grupos químicos que están listos para nuevos enlaces.
- Hay modelos de computación molecular que usan moléculas sin orientación.

¿Un ordenador molecular de propósito general?

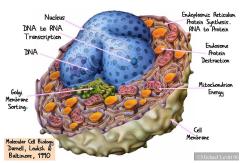






¿Saben sumar las células?











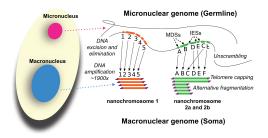
pues ...

Aritmética

- * Saben contar (hasta un cierto umbral): quorum sensing
- * Saben repartir/dividir: mitosis

Punteros de memoria:

* Auto-montaje de genes en los Ciliados









La célula

Unidad fundamental de todo organismo vivo.

- Estructura compleja y, a la vez, muy organizada.
- Permite la ejecución simultánea de reacciones químicas.

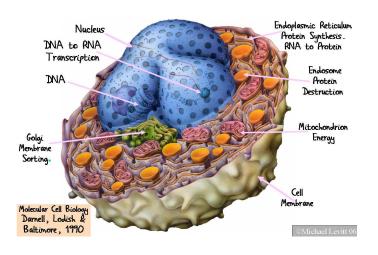
Realiza unos procesos esenciales que caracterizan la VIDA:

- Replicación del material genético (DNA, RNA, ...).
- Síntesis de proteínas.
- Producción de energía.
- Realización de procesos metabólicos.











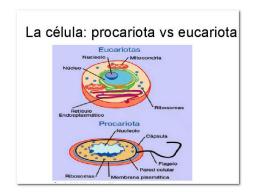




Células procariotas vs células eucariotas

Existen dos tipos de células:

- * Procariotas: carecen de un núcleo bien definido (organismos unicelulares).
- * Eucariotas: núcleo protegido por una doble membrana (animales y plantas).









Células procariotas vs células eucariotas

Células procariotas:

- * No tienen un núcleo bien definido.
- * El DNA está diperso por el citoplasma.
- * Pueden vivir en estado de simbiosis con otros organismos (i.e. E. coli).
- * Algunas producen enfermedades.
- *

Células eucariotas:

- * Tienen un núcleo bien definido con membrana nuclear.
- * El núcleo contiene los cromosomas que, en su interior, contiene el DNA.
- * No viven en estado de simbiosis con otros organismos (salvo los líquenes).
- * No producen enfermedades.
- *







Células procariotas vs células eucariotas

En el "paso" de células procariotas a eucariotas:

- * Aumentó en cientos de veces la cantidad de ADN.
- ★ El DNA se distribuyó en varios "segmentos" (cromosomas).
- ★ El DNA se compactificó en unión de unas proteínas (histonas).
- Se constituyó un nucleo bien definido para manejar esa ingente cantidad de información.







Paradigma computacional introducido por Gh. Păun en octubre de 1998¹².



 $^{^{12}}$ Gh. Păun. Membrane Computing. Journal of Computer and System Sciences, 61, 1 (2000), 108–143, and Turku Center for Computer Science-TUCS Report Nr. 208, 1998







- * Paradigma inspirado en la estructura y el funcionamiento de la célula como organismo vivo capaz de procesar y generar información, así como en su organización en estructuras "superiores" (tejidos, órganos, etc.).
- * El artículo fundacional¹³ fue designado por el ISI Thomson Reuters como *Fast Breaking Paper* (febrero de 2003).
- * Declarada por el ISI Thomson Reuters como *Fast Emerging Research Front in Computer Science* (noviembre 2003).

¹³Gh. Păun. Membrane Computing. Journal of Computer and System Sciences, 61, 1 (2000), 108–143, and Turku Center for Computer Science-TUCS Report Nr. 208, 1998

- Paradigma de computación celular:
 - * Modelos orientados a máquinas.
 - * Modelos universales.
 - * Modelos eficientes (intercambio tiempo/espacio).
 - * Modelos no deterministas de tipo distribuido, paralelo y maximal.
- Rama emergente de la Computación Natural.
- No existe implementación real ni en medio bioquímico ni en medio electrónico.







Computación Molecular versus Computación Celular

Computación molecular basada en ADN

- * Modelos orientados a programas.
- * Modelos universales
- * Modelos eficientes.
- * Modelos deterministas.

Computación celular con membranas

- * Modelos orientados a máquinas.
- * Modelos universales.
- * Modelos eficientes.
- * Modelos no deterministas.





