

# Tema IV: Resolución eficiente de problemas NP-completos en modelos moleculares

## El problema 3-COL

*Dado un grafo no dirigido  $G$ , determinar si existe una coloración válida de  $G$  con tres colores*

El problema 3-COL es **presuntamente intratable**

Diseñamos un programa molecular que resuelve *eficientemente* 3-COL

- ▶ Sea  $G = (V, E)$  un grafo no dirigido, con  $V = \{1, \dots, n\}$
- ▶ Notaremos por  $p_1, \dots, p_n$  los códigos moleculares de los nodos y por  $c_1, c_2, c_3$  los códigos moleculares de los colores.
- ▶ Para cada  $i, j$  ( $1 \leq i, j \leq n$ ), notaremos el par  $(p_i, c_j)$  por  $p_i(c_j)$ , y convendremos que  $p_i(c_j)$  indica que el nodo  $p_i$  tiene asignado el color  $c_j$ .
- ▶ Sea  $\{e_1, e_2, \dots, e_p\}$  el conjunto ordenado de aristas de  $G$ . Para cada  $i$  ( $1 \leq i \leq p$ ),  $e_i^1$  (resp.  $e_i^2$ ) es el menor (resp. mayor) de los extremos de la arista  $e_i$ .

# Una solución del problema **3-COL** en el modelo restringido

Consideremos el alfabeto:

$$\Sigma = \{(p_1, x_1, p_2, x_2, \dots, p_n, x_n) : \forall i (1 \leq i \leq n \rightarrow (x_i = c_1 \vee x_i = c_2 \vee x_i = c_3))\}$$

Los elementos de  $\Sigma$  se pueden identificar con moléculas de ADN del tipo  $p_1x_1p_2x_2\dots p_nx_n$ , cada una de las cuales representan una coloración del grafo.

El tubo de entrada,  $T$ , es el siguiente multiconjunto finito:

$$T = \{a \subseteq \Sigma : a \text{ es un conjunto unitario}\}$$

Dada una molécula  $\sigma = p_1x_1 \dots p_nx_n \in T$  y un número  $i$  ( $1 \leq i \leq n$ ), notaremos por  $(\sigma)_i$  el color asociado al nodo codificado por  $p_i$ .

Es decir,  $p_i(c_j) \equiv (\sigma)_{p_i} = c_j$ .

Idea del programa molecular:

- ▶ A partir del tubo inicial  $T_0$ , que codifica todas las posibles coloraciones del grafo con tres colores, se procede como sigue.
  - Se elabora un tubo  $T_1$  seleccionando de  $T_0$  las coloraciones que son válidas para el subgrafo inducido por la arista  $e_1$ . Para ello:
    - ★ Para cada  $j$  ( $1 \leq j \leq 3$ ) se coloca en  $T_j$  las coloraciones que dan color  $j$  a  $e_1^1$  y en  $T'_j$  las coloraciones de  $T_j$  que dan a  $e_1^1$  un color distinto de  $j$ .
    - ★ El tubo  $T_1$  será la unión de los tubos  $T'_1, T'_2, T'_3$ .
  - Se elabora un tubo  $T_2$  seleccionando de  $T_1$  las coloraciones que son válidas para el subgrafo inducido por las aristas  $e_1, e_2$  (procediendo de manera análoga).
  - El proceso se reitera  $p$  veces (siendo  $p$  el número de aristas).

Estas ideas sugieren el diseño del siguiente programa molecular:

Entrada:  $T$  (contiene todas las posibles coloraciones de  $G$ )

Para  $i \leftarrow 1$  hasta  $p$  hacer

$$T_1 \leftarrow +(T, e_i^1(c_1)); \quad T_1^* \leftarrow -(T, e_i^1(c_1))$$

$$T_2 \leftarrow +(T_1^*, e_i^1(c_2)); \quad T_3 \leftarrow -(T_1^*, e_i^1(c_2))$$

Para  $j \leftarrow 1$  hasta 3 hacer

$$T'_j \leftarrow -(T_j, e_i^2(c_j))$$

$$T \leftarrow T'_1 \cup T'_2$$

$$T \leftarrow T \cup T'_3$$

Detectar( $T$ )

# Verificación formal de dicho programa molecular (I)

Para establecer la verificación, se etiquetan los tubos que se obtienen a lo largo de la ejecución, reescribiendo el programa molecular como sigue:

Entrada:  $T$  (en las condiciones antes citadas)

$$T^0 \leftarrow T$$

Para  $i \leftarrow 1$  hasta  $p$  hacer

$$T_{i,1} \leftarrow +(T^{i-1}, e_i^1(c_1)); \quad T_{i,1}^* \leftarrow -(T^{i-1}, e_i^1(c_1))$$

$$T_{i,2} \leftarrow +(T_{i,1}^*, e_i^1(2)); \quad T_{i,3} \leftarrow -(T_{i,1}^*, e_i^1(c_2))$$

Para  $j \leftarrow 1$  hasta 3 hacer

$$T'_{i,j} \leftarrow -(T_{i,j}, e_i^2(c_j))$$

$$\bar{T}^i \leftarrow T'_{i,1} \cup T'_{i,2}$$

$$T^i \leftarrow \bar{T}^i \cup T'_{i,3}$$

Detectar( $T^p$ )

## Verificación formal de dicho programa molecular (II)

Para probar la corrección del programa se considera la fórmula

$$\theta(i) = \forall \sigma \in T^i \forall k \leq i ((\sigma)_{e_k^1} \neq (\sigma)_{e_k^2})$$

para  $i$  verificando que  $1 \leq i \leq p$ .

$\theta(i)$  es verdadera si todas las moléculas del tubo  $T^i$  codifican coloraciones válidas del subgrafo de  $G$  inducido por las aristas  $\{e_1, \dots, e_i\}$ .

Se trata de probar que  $\theta(i)$  es un **invariante** del bucle principal del programa.

## Verificación formal de dicho programa molecular (III)

**Lema 1:** Para cada  $i, j$  ( $1 \leq i \leq p \wedge 1 \leq j \leq 3$ ) y cada molécula  $\sigma \in T_{i,j}$  se tiene que:  $(\sigma)_{e_i^1} = c_j$ .

**Lema 2:** Para cada  $i$ ,  $1 \leq i < p$ , se tiene que  $T^{i+1} \subseteq T^i$ .

**Teorema 1:**  $\theta(i)$  es un invariante del bucle principal del programa. Es decir,  $\forall i$  ( $1 \leq i \leq p \rightarrow \theta(i)$ ).

**Corolario:** (*Corrección* del programa molecular) Toda molécula del tubo de salida codifica una coloración válida del grafo. Es decir,

$$\forall \sigma \in T^p \text{ (} \sigma \text{ codifica una coloración válida)}$$

## Verificación formal de dicho programa molecular (IV)

Para probar la completitud del programa se considera la fórmula:

$$\delta(i) \equiv \forall \sigma \in T_0 \forall k \leq p ((\sigma)_{e_k^1} \neq (\sigma)_{e_k^2} \rightarrow \sigma \in T^i)$$

$\delta(i)$  es verdadera si toda molécula del tubo inicial que codifica una coloración válida del grafo con tres colores, aparece en todos los tubos *relevantes*,  $T^i$ , que se obtienen a lo largo de la ejecución del programa.

**Teorema 2:**  $\delta(i)$  es un invariante del bucle principal del programa. Es decir,  $\forall \sigma (\sigma \in T_0 \wedge \forall k \leq p ((\sigma)_{e_k^1} \neq (\sigma)_{e_k^2}) \longrightarrow \forall i (1 \leq i \leq p \rightarrow \sigma \in T^i))$ .

**Corolario:** (*Completitud* del programa) Toda molécula del tubo inicial que codifica una coloración válida del grafo aparece en el tubo de salida del programa. Es decir,  $\forall \sigma (\sigma \in T_0 \wedge \forall k \leq p ((\sigma)_{e_k^1} \neq (\sigma)_{e_k^2} \rightarrow \sigma \in T^p))$ .

# Una solución del problema **3-COL** en el modelo débil

Consideremos el siguiente alfabeto:  $\Sigma = \{(p_i, c_j) : 1 \leq i \leq n \wedge 1 \leq j \leq 3\}$ .

El tubo de entrada del programa molecular es el siguiente

$$T = \{\sigma \in \Sigma^n : \exists x_1 \dots \exists x_n (\sigma = (p_1, x_1)(p_2, x_2) \dots (p_n, x_n))\}$$

Si  $\sigma$  es una molécula de dicho tubo, entonces para cada  $i$ ,  $1 \leq i \leq n$ , notaremos  $(\sigma)_i = x_i$ .

Idea del programa molecular:

- ▶ A partir del tubo de entrada se seleccionan las moléculas que codifican coloraciones válidas con tres colores del subgrafo inducido por las aristas cuyo extremo inferior es menor o igual que 1.
  - ▶ De éstas, se seleccionan las que codifican coloraciones válidas con tres colores del subgrafo inducido por las aristas cuyo extremo inferior es menor o igual que 2.
  - ▶ Y se repite el proceso  $n$  veces.

Estas ideas sugieren el diseño del siguiente programa molecular:

```
Entrada:  $T$  (en las condiciones antes citadas)
Para  $i \leftarrow 1$  hasta  $n - 1$  hacer
  copiar( $T, \{T_1, T_2, T_3\}$ )
  Para  $j \leftarrow 1$  hasta 3 hacer
    quitar( $T_j, \{x_i \neq j, p_k(c_j) : k > i \wedge \{i, k\} \in E\}$ )
  union( $\{T_1, T_2, T_3\}, T$ )
Selección( $T$ )
```

# Verificación formal de dicho programa molecular (I)

Para establecer la verificación, se etiquetan los tubos que se obtienen a lo largo de la ejecución, reescribiendo el programa molecular como sigue:

```
Entrada:  $T^0$  (en las condiciones antes citadas)
Para  $i \leftarrow 1$  hasta  $n-1$  hacer
  copiar( $T^{i-1}$ ,  $\{T_1^{i-1}, T_2^{i-1}, T_3^{i-1}\}$ )
  Para  $j \leftarrow 1$  hasta 3 hacer
     $\bar{T}_j^i \leftarrow$  quitar( $T_j^{i-1}$ ,  $\{x_i \neq j, p_k(c_j) : k > i \wedge \{i, k\} \in E\}$ )
  union( $\{\bar{T}_1^i, \bar{T}_2^i, \bar{T}_3^i\}$ ,  $T^i$ )
Selección( $T^{n-1}$ )
```

## Verificación formal de dicho programa molecular (II)

Del etiquetado de tubos que ha sido introducido se deduce:

- (a) La sucesión de tubos relevantes,  $T^i$  que se obtiene a lo largo de la ejecución es creciente por la relación de inclusión. Es decir,

$$\forall i (1 \leq i \leq n-1 \rightarrow T^i \subseteq T^{i-1})$$

- (b) Para cada  $i, j$  tales que  $1 \leq i \leq n-1, 1 \leq j \leq 3$ , y para cada molécula  $\sigma \in \overline{T}_j^i$  se verifica que  $(\sigma)_i = j \wedge \forall k (i < k \wedge \{i, k\} \in E \rightarrow (\sigma)_k \neq j)$ .

## Verificación formal de dicho programa molecular (III)

Para probar la corrección del programa molecular se considera la fórmula:

$$\theta(i) = \forall \sigma \in T^i \forall r \forall s (1 \leq r \leq i \wedge r < s \wedge \{r, s\} \in E \rightarrow (\sigma)_r \neq (\sigma)_s)$$

para cada  $i$  ( $1 \leq i \leq n - 1$ ).

$\theta(i)$  es verdadera si cada molécula de  $T^i$  codifica una coloración del grafo que es válida para el subgrafo inducido por el conjuntos de nodos  $\{1, \dots, i\}$ .

**Teorema 5:**  $\theta(i)$  es un invariante del bucle principal del programa. Es decir,  $\forall i (1 \leq i \leq n - 1 \rightarrow \theta(i))$ .

**Corolario 6 (Corrección del programa):** Toda molécula del tubo de salida codifica una coloración válida del grafo. Es decir,

$$\forall \sigma \in T^{n-1} (\sigma \text{ codifica una coloración válida})$$

## Verificación formal de dicho programa molecular (IV)

A continuación, veamos que toda molécula del tubo inicial que codifique una coloración válida del grafo, aparece en todos los tubos relevantes,  $T^i$ , a lo largo de la ejecución del programa.

**Teorema 7:** Sea  $\sigma \in T^0$  tal que

$$\forall r \forall s (1 \leq r \leq n-1 \wedge r < s \wedge \{r, s\} \in E \rightarrow (\sigma)_r \neq (\sigma)_s)$$

Entonces  $\forall i (1 \leq i \leq n-1 \rightarrow \sigma \in T^i)$ .

**Corolario (Completitud del programa):** Sea  $\sigma \in T^0$  tal que codifica una coloración válida del grafo. Entonces  $\sigma \in T^{n-1}$ .

# Amortiguación de errores (I)

Operaciones moleculares del modelo:

- ▶ Son **exactas**.
- ▶ Están inspiradas en otras que son susceptibles de ser ejecutadas en el laboratorio (existencia de **errores**).

Operaciones conflictivas:

- ▶ **extraer** en el modelo restringido.
- ▶ **quitar** en el modelo débil.

A continuación se analiza un procedimiento que permite atenuar el efecto negativo de los errores cometidos en la operación **extraer**.

## Amortiguación de errores (II)

Al implementar la operación **extraer**( $T, s$ ), a través de la manipulación de moléculas de ADN, puede suceder que:

- ▶ alguna molécula del tubo  $T$  contenga al símbolo  $s$  y, en cambio, pertenezca al tubo  $-(T, s)$ ; o bien que
- ▶ alguna molécula del tubo  $T$  no contenga al símbolo  $s$  y, en cambio, pertenezca al tubo  $+(T, s)$ .

Los errores del primer tipo son *subsanales*.

Los errores del segundo tipo son *muy graves*.

A continuación vamos a ver cómo se pueden amortiguar los errores de este último tipo.

## Amortiguación de errores (III)

La idea es la siguiente:

- ▶ A partir del tubo  $T$ , el símbolo  $s$  y un número natural  $n$  se procede como sigue:
  - ▶ Se ejecuta la operación extraer  $(T, s)$  que devuelve dos tubos:  $+(T, s) = T_1$  y  $-(T, s) = T'_1$ .
  - ▶ Se ejecuta la operación extraer  $(T'_1, s)$  que devuelve dos tubos:  $+(T'_1, s) = T_2$  y  $-(T'_1, s) = T'_2$ .
  - ▶ El proceso se reitera  $n$  veces.
  - ▶ Finalmente se devuelve la unión de los tubos  $T_1, T_2, \dots, T_n$ .

## Amortiguación de errores (IV)

Las ideas anteriores pueden ser descritas a través del siguiente programa molecular que denominaremos **extraer**<sup>(n)</sup>:

```
Entrada:  $(T, s)$   
 $T_0 \leftarrow \emptyset; T'_0 \leftarrow T$   
Para  $i \leftarrow 1$  hasta  $n$  hacer  
     $T_i \leftarrow +(T'_{i-1}, s); T'_i \leftarrow -(T'_{i-1}, s)$   
     $T^+ \leftarrow T_{i-1} \cup T_i$   
 $T^- \leftarrow T'_n$ 
```

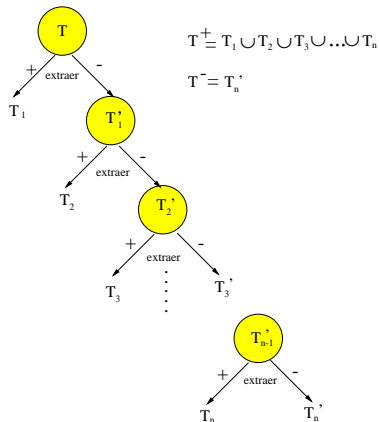
La ejecución de este programa devuelve dos tubos,  $T^+$  y  $T^-$ :

- ▶ La probabilidad de que una molécula de  $T$  que contiene a  $s$  esté en  $T^+$  es  $1 - (p_+)^n$ .  
( $p_+$  es la probabilidad de que tras ejecutar la operación **extraer**( $T, s$ ), una molécula que debería estar en  $+(T, s)$  no se encuentre en dicho tubo).

Por tanto, es posible amortiguar el error antes citado a unos niveles prefijados con tal de elegir  $n$  convenientemente.

# Amortiguación de errores (V)

$\text{Extraer}^*(T, \gamma, n) \longrightarrow \{T^+, T^-\}$



## El problema de las familias disjuntas

Sea  $A = \{1, \dots, p\}$  un conjunto finito. Sea  $\mathcal{F} = \{B_1, \dots, B_q\}$  una familia finita de subconjuntos de  $A$ . Determinar todas las subfamilias de  $\mathcal{F}$  cuyos elementos son disjuntos dos a dos.

El problema de las familias disjuntas es **presuntamente intratable**.

Notación: Para cada  $j$  ( $1 \leq j \leq q$ ), notaremos  $r_j = |B_j|$  y  $B_j = \{x_j^1, \dots, x_j^{r_j}\}$

# Una solución del problema de las familias disjuntas en el modelo sticker (I)

**Idea de un programa molecular:** a partir de una  $(p + q, q)$ -librería,  $T_0$ , que codifica todas las posibles subfamilias de  $\mathcal{F}$ , se procede así:

- ▶ Se clasifican las moléculas de  $T_0$  entre las que contienen al 1 ( $T^+$ ), y las que no ( $T^-$ ). De entre las que contienen al 1:
  - ★ Si para algún  $x_1^j \in B_1$  tiene activada la posición  $q + x_1^j$ , se **desecha**.
  - ★ Si no, se activan las posiciones  $q + x_1^j$  ( $T^*$ ).

Se considera  $T_0 = T^* \cup T^-$ .

- ▶ Se reitera el proceso para 2 (respecto de  $B_2$ ),  $\dots$ ,  $q$  (respecto de  $B_q$ ).

# Una solución del problema de las familias disjuntas en el modelo sticker (II)

Diseño de un programa molecular:

```
Entrada:  $T_0$  (una  $(p + q, q)$ -librería)
  para  $i \leftarrow 1$  hasta  $q$  hacer
     $T^+ \leftarrow +(T_0, i)$ ;  $T^- \leftarrow -(T_0, i)$ 
     $T_0^* \leftarrow T^+$ 
    para  $j \leftarrow 1$  hasta  $r_i$  hacer
       $T_{basura} \leftarrow +(T_{j-1}^*, q + x_i^j)$ 
       $T \leftarrow -(T_{j-1}^*, q + x_i^j)$ 
       $T_j^* \leftarrow \text{activar}(T, q + x_i^j)$ 
     $T_0 \leftarrow \text{mezcla}(T_{r_i}^*, T^-)$ 
```

# Verificación formal de dicho programa molecular (I)

Para establecer la verificación, se etiquetan los tubos que se obtienen a lo largo de la ejecución, reescribiendo el programa molecular como sigue:

```
Entrada:  $T_0$  (una  $(p + q, q)$ -librería)
  para  $i \leftarrow 1$  hasta  $q$  hacer
     $T_i^+ \leftarrow +(T_{i-1}, i)$ ;  $T_i^- \leftarrow -(T_{i-1}, i)$ 
     $T_{i,0}^* \leftarrow T_i^+$ 
    para  $j \leftarrow 1$  hasta  $r_i$  hacer
       $T_{i,j}^{basura} \leftarrow +(T_{i,j-1}^*, q + x_i^j)$ 
       $T_{i,j}^\bullet \leftarrow -(T_{i,j-1}^*, q + x_i^j)$ 
       $T_{i,j}^* \leftarrow \text{activar}(T_{i,j}^\bullet, q + x_i^j)$ 
     $T_i \leftarrow \text{mezcla}(T_{i,r_i}^*, T_i^-)$ 
```

# Verificación formal de dicho programa molecular (II)

## Notación:

- ▶  $\sigma$  se identifica con un número binario de  $q + p$  dígitos.
- ▶ Si  $\sigma = \sigma(1) \dots \sigma(q)\sigma(q + 1) \dots \sigma(q + p)$ , entonces

$$\begin{cases} \sigma_q = \sigma(1) \dots \sigma(q) \\ \sigma_p = \sigma(q + 1) \dots \sigma(q + p) \end{cases}$$

- ▶ Diremos que  $k \in \sigma$  si  $\sigma(k) = 1$ . Relación de inclusión entre moléculas.

# Verificación formal de dicho programa molecular (III)

Interpretación de la ejecución del programa molecular:

- ▶ Evolución de una población de individuos a lo largo del tiempo.
- ▶ Al transcurrir una unidad de tiempo, un individuo puede:
  - ★ Morir.
  - ★ Mutar.
  - ★ Permanecer invariable.
- ▶ Evolución de una molécula en una unidad de tiempo:  $\text{STEP}(\rho, i)$ , para  $\rho \in T_{i-1}$  y  $1 \leq i \leq q$ .
- ▶ Historia de  $\sigma \in T_0$ :  $\hat{\sigma} = (\sigma^0, \sigma^1, \dots, \sigma^q)$ .  
En donde  $\sigma^0 = \sigma$  y  $\sigma^i = \text{STEP}(\sigma^{i-1}, i)$ .

# Verificación formal de dicho programa molecular (IV)

**Lema 1:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \forall \rho \in T_{i-1} (\text{STEP}(\rho, i) \downarrow \rightarrow \text{STEP}(\rho, i) \in T_i))$ .

**Lema 2:**

$\forall i \forall j (1 \leq i \leq q \wedge 1 \leq j \leq r_i \rightarrow \forall \tau \in T_{i,j}^* \exists \rho \in T_i^+ (\tau_q = \rho_q \wedge \forall s ((1 \leq s \leq j \rightarrow \rho(q + x_i^j) = 0 \wedge \tau(q + x_i^j) = 1) \wedge (j < s \leq q \rightarrow \rho(q + x_i^j) = \tau(q + x_i^j))))))$

**Corolario 3:**

$\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \forall \tau \in T_{i,r_i}^* \exists \rho \in T_{i-1} (i \in \rho \wedge \rho \neq \tau \wedge \text{STEP}(\rho, i) = \tau))$

**Corolario 4:**  $\forall i \forall j (1 \leq i \leq q \wedge 1 \leq j \leq r_i \rightarrow T_{i,j}^* \cap T_i^- = \emptyset)$

**Lema 5:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \forall \tau \in T_i^- (\tau \in T_{i-1} \wedge \text{STEP}(\tau, i) = \tau))$

**Lema 6:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \forall \rho, \tau \in T_{i-1} (\text{STEP}(\rho, i) \downarrow = \text{STEP}(\tau, i) \rightarrow \rho = \tau))$

**Corolario 7:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \forall \sigma, \rho \in T_0 (\sigma^i \downarrow = \rho^i \rightarrow \sigma = \rho))$

# Verificación formal de dicho programa molecular (V)

**Lema 8:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \forall \tau \in T_i \exists! \sigma \in T_0 (\sigma^i = \tau))$

**Lema 9:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \forall \sigma \in T_0 (\sigma^i \downarrow \rightarrow \sigma^i \in T_i))$

**Lema 10:**  $\forall i \forall j (1 \leq i \leq q \wedge 1 \leq j \leq r_i \rightarrow \forall \tau \in T_{i,j}^* (i \in \tau))$

**Proposición 11:**  $\forall i (0 \leq i < q \rightarrow \forall \sigma \in T_0 (\sigma^{i+1} \downarrow \rightarrow \sigma_q^i = \sigma_q^{i+1} \wedge \sigma_p^i \subseteq \sigma_p^{i+1}))$

**Proposición 12:**

$\forall i \forall k (1 \leq i \leq q \wedge 1 \leq k < i \rightarrow \forall \sigma \in T_0 (\sigma^i \downarrow \rightarrow \sigma_q^k = \sigma_q^i \wedge \sigma_p^k \subseteq \sigma_p^i))$

# Verificación formal de dicho programa molecular (VI)

Invariante de la **corrección**

$$\theta(i) \equiv \forall \tau \in T_i \forall k, k' \in \tau (1 \leq k < k' \leq i \rightarrow B_k \cap B_{k'} = \emptyset)$$

**Teorema 13:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \theta(i))$ .

**Corolario 14:** (Corrección)

$$\forall \tau \in T_q \forall k, k' \in \tau (1 \leq k < k' \leq q \rightarrow B_k \cap B_{k'} = \emptyset)$$

Invariante de la **completitud**

$$\delta(i) \equiv \forall \sigma \in T_0 ((\forall k, k' \in \sigma (1 \leq k < k' \leq q \rightarrow B_k \cap B_{k'} = \emptyset)) \rightarrow \sigma^i \in T_i)$$

**Teorema 15:**  $\forall i (1 \leq i \leq q \rightarrow \delta(i))$ .

**Corolario 16:** (Completitud)

$$\forall \sigma \in T_0 ((\forall k, k' \in \tau (1 \leq k < k' \leq q \rightarrow B_k \cap B_{k'} = \emptyset)) \rightarrow \sigma^q \in T_q)$$